

Załącznik 4

**Wykaz osiągnięć naukowych albo artystycznych,
stanowiących znaczny wkład w rozwój określonej
dyscypliny**

dr inż. Anna Juras

Uniwersytet im. Adama Mickiewicza w Poznaniu

Kwiecień 2023

1. Informacja o osiągnięciach naukowych albo artystycznych, o których mowa w art. 219 ust. 1. Pkt 2 ustawy

1.1. Cykl powiązanych tematycznie artykułów naukowych, zgodnie z art. 219 ust. 1. pkt 2b Ustawy

(Liczba cytowań podana za Web of Science Core Collection z wyłączeniem autocytowań; dostęp 14.04.2023)

[O1] Juras A., Chyleński M., Ehler E., Malmström H., Żurkiewicz D., Włodarczak P., Wilk S., Peška J., Fojtík P., Králík M., Libera J., Bagińska J., Tunia K., Klochko V., Dabert M., Jakobsson M., Koško A.: Mitochondrial genomes reveal an east to west cline of steppe ancestry in Corded Ware populations, Scientific Reports, Nature Publishing Group, vol. 8, nr 1, 2018, s. 1-10. DOI:10.1038/s41598-018-29914-5

IF₂₀₁₈ : **4,011 (Q1)** MEiN₂₀₁₈: **40** MEiN₂₀₂₁: **140** Cytowania: **14** CiteScore Percentile: **93**

Autor korespondencyjny: **Juras A.**

Mój wkład w powstanie tej pracy polegał na przygotowaniu koncepcji badań i przeprowadzeniu analiz laboratoryjnych, udziale w analizie wyników sekwencjonowania wysokoprzepustowego, wykonaniu analizy mtDNA wraz z wyznaczeniem haplotypów, koordynacji i udziale w badaniach z zakresu genetyki populacyjnej, doborze populacji referencyjnych, interpretacji wyników, przygotowaniu pierwszej wersji manuskryptu, który był następnie recenzowany przez pozostałych współautorów. Badania były wykonane w ramach projektu NPRH (12H 13 0556 82), w którym koordynowałam część dotyczącą analiz aDNA.

[O2] Juras A., Ehler E., Chyleński M., Pospieszny Ł., Spinek A., Malmström H., Krzewińska M., Szostek K., Pasterkiewicz W., Florek M., Wilk S., Mních B., Kruk J., Szmyt M., Kozieł S., Anders G., Jakobsson M., Dabert M.: Maternal genetic origin of the late and final Neolithic human populations from present-day Poland, American Journal of Physical Anthropology, vol. 176, nr 2, 2021, s. 223-236. DOI:10.1002/ajpa.24372

IF₂₀₂₁: **2,963 (Q1)** MEiN₂₀₂₁: **140** Cytowania: **0** CiteScore Percentile: **96**

Autor korespondencyjny: **Juras A.**

Mój wkład w powstanie tej pracy polegał na przygotowaniu koncepcji badań, udziale w pobieraniu materiałów kosztnych do analiz aDNA, przeprowadzeniu badań laboratoryjnych, udziale w analizie wyników sekwencjonowania wysokoprzepustowego, wykonaniu analiz mtDNA wraz z wyznaczeniem haplotypów, koordynacji i udziale w badaniach z zakresu genetyki populacyjnej, doborze populacji referencyjnych, interpretacji wyników oraz przygotowaniu pierwszej wersji manuskryptu, który był następnie recenzowany przez pozostałych współautorów.

[O3] Juras A., Makarowicz P., Chyleński M., Ehler E., Malmström H., Krzewińska M., Pospieszny Ł., Górski J., Taras H., Anita S., Polańska M., Włodarczak P., Szyca A., Lasota-Kuś A., Wójcik I., Jakobsson M., Dabert M.: Mitochondrial genomes from Bronze Age Poland reveal genetic continuity from the Late Neolithic and additional genetic affinities with the steppe populations, American Journal of Physical Anthropology, vol. 172, nr 2, 2020, s. 176-188. DOI: 10.1002/ajpa.24057

IF₂₀₂₀ : **2,868 (Q1)** MEiN₂₀₂₀: **140** Cytowania: **6** CiteScore Percentile: **96**

Autor korespondencyjny: **Juras A.**

Mój wkład w powstanie tej pracy polegał na przygotowaniu koncepcji badań molekularnych, udziale w pobieraniu materiałów kostnych do analiz aDNA, przeprowadzeniu większości badań laboratoryjnych, udziale w analizie wyników sekwencjonowania wysokoprzepustowego, wykonaniu analiz mtDNA wraz z wyznaczeniem haplotypów, koordynacji i udziale w badaniach z zakresu genetyki populacyjnej, doborze populacji referencyjnych, interpretacji wyników oraz przygotowaniu pierwszej wersji manuskryptu, który był następnie recenzowany przez pozostałych współautorów. Badania były finansowane z projektu NCN OPUS (2015/17/B/HS3/00114), w którym koordynowałam część dotyczącą badań aDNA.

[O4] Juras A., Krzewińska M., Nikitin A., Ehler E., Chyleński M., Łukasik S., Krenz-Niedbała M., Sinika V., Piontek J., Ivanova S., Dabert M., Götherström A.: Diverse origin of mitochondrial lineages in Iron Age Black Sea Scythians, *Scientific Reports*, Nature Publishing Group, vol. 7, 2017, s. 1-10. DOI:[10.1038/srep43950](https://doi.org/10.1038/srep43950)

IF₂₀₁₇: **4,122 (Q1)** MEiN₂₀₁₇: **40** MEiN₂₀₂₁: **140** Cytowania: **18** CiteScore Percentile: **93**

Autor korespondencyjny: **Juras A.**

Mój wkład w powstanie tej pracy polegał na przygotowaniu koncepcji i planu badań molekularnych, przeprowadzeniu większości analiz laboratoryjnych, udziale w analizie wyników sekwencjonowania wysokoprzepustowego, wykonaniu analizy mtDNA wraz z wyznaczeniem haplotypów, koordynowaniu i udziale w badaniach z zakresu genetyki populacyjnej, doborze populacji referencyjnych, interpretacji wyników i przygotowaniu pierwszej wersji manuskryptu, który był następnie recenzowany przez pozostałych współautorów.

[O5] Juras A., Chyleński M., Krenz-Niedbała M., Malmström H., Ehler E., Pospieszny Ł., Łukasik S., Bednarczyk J., Piontek J., Jakobsson M., Dabert M.: Investigating kinship of Neolithic post-LBK human remains from Krusza Zamkowa, Poland using ancient DNA, *Forensic Science International-Genetics*, vol. 26, 2017, s. 30-39. DOI:[10.1016/j.fsigen.2016.10.008](https://doi.org/10.1016/j.fsigen.2016.10.008)

IF₂₀₁₇: **5,637 (Q1)** MEiN₂₀₁₇: **45** MEiN₂₀₂₁: **140** Cytowania: **12** CiteScore Percentile: **93**

Autor korespondencyjny: **Juras A.**

Mój wkład w powstanie tej pracy polegał na przygotowaniu koncepcji badań molekularnych i przeprowadzeniu analiz laboratoryjnych, we współudziale mgr Macieja Chyleńskiego (ówczesnego doktoranta, dla którego byłam promotorem pomocniczym), udziale w analizie wyników sekwencjonowania wysokoprzepustowego, wykonaniu analizy mtDNA wraz z wyznaczeniem haplotypów oraz analizy SNP genomu jądrowego, interpretacji wyników oraz przygotowaniu pierwszej wersji manuskryptu, który był następnie recenzowany przez pozostałych współautorów.

- Sumaryczny Impact Factor osiągnięcia naukowego: **19,601**
- Sumaryczna liczba punktów MEiN osiągnięcia naukowego: **700**

2. Informacja o aktywności naukowej albo artystycznej

2.1 Wykaz opublikowanych monografii naukowych (z zaznaczeniem pozycji niewymienionych w pkt I.1).

Nie dotyczy

2.2 Wykaz opublikowanych rozdziałów w monografiach naukowych.

- [M1] Yaka R., Ayça D., Damla K., Dağtaş N., Chyleński M., Vural K., Altınışık N., Igor M., Dilek K., Cansu K., Gemici H., Sevgi Y., Lagerholm V., Evrim F., Ulaş I., Ayshin G., Kılınç G., Camilla M., **Juras A.**, Marciniak A., Larsen C., Marin P., Haddow S., Knüsel C., İnci T., Anders G., Erdal Y., Elif S., Füsün Ö., Çiğdem A., Somel M.: Ancient genomics in Neolithic Central Anatolia and Çatalhöyük, W: Peopling the Landscape of Çatalhöyük: Reports from the 2009-2017 Seasons / Ian Hodder (red.), 2021, British Institute of Archaeology at Ankara, ISBN 9781912090785, s. 395-405
- [M2] Chyleński M., Grynberg M., **Juras A.**: Late Bronze Age in the Mediterranean. Prospects for approaching the problem of Sea Peoples using ancient DNA, W: Change, Continuity and Connectivity. North-Eastern Mediterranean at the turn of the Bronze Age and in the early Iron Age/Niesiołowski-Spanò Łukasz, Węcowski Marek (red.), 2018, Harrassowitz Verlag, ISBN 978-3-447-10969-7, s. 444-450, DOI:10.2307/j.ctvckq4zg.25
- [M3] **Juras A.**: Kopalny DNA w badaniach populacji pradziejowych, W: Stary materiał - nowe spojrzenie / Wrzesiński Jacek, Dzieduszycki Wojciech (red.), Funeralia Lednickie, 2018, Stowarzyszenie Naukowe Archeologów Polskich Oddział Wielkopolski, ISBN 978-83-65085-08-5, s. 141-143
- [M4] Chyleński M., **Juras A.**, Żurkiewicz D., Jankowski M., Włodarczak P.: Preservation of ancient DNA in human bones from the eneolithic and Bronze Age kurgan cemeteries in Yampil region, Ukraine. In: A. Koško (Ed.) Podolia 'Barrow Culture' communities: 4th/3rd-2nd mill. BC the Yampil Barrow complex: interdisciplinary studies. Baltic-Pontic Studies, vol. 22, 2017, ISSN 1231-0344, s. 54-63
- [M5] Handschuh L., Matla M., **Juras A.**, Dobosz J.: Dynastia i społeczeństwo państwa Piastów w świetle zintegrowanych badań historycznych, antropologicznych i genomicznych – podstawowe założenia i cele projektu realizowanego przez Poznańskie Centrum Archeogenomiki [współautorzy: Luiza Handschuh, Marzena Matla, , Andrzej Legocki, Piotr Kozłowski, Tomasz Jasiński, Janusz Piontek, Hanna Kóčka-Krenz, Marek Figlerowicz], W: Tradycje i nowoczesność. Początki państwa polskiego na tle środkowoeuropejskim w badaniach interdyscyplinarnych / Danielewski Marcin (red.), 2016, Wydawnictwo UAM w Poznaniu, ISBN 978-83-232, s. 309–321
- [M6] Kóčka-Krenz H., Matla M., **Juras A.**, Legocki A., Kozłowski P., Dobosz J., Jasiński T., Piontek J., Figlerowicz M.: Dynastia i społeczeństwo państwa Piastów w świetle zintegrowanych badań historycznych, antropologicznych i genomicznych - podstawowe założenia i cele projektu realizowanego przez Poznańskie Centrum Archeogenomiki, W: Tradycje i nowoczesność – początki państwa polskiego na tle środkowoeuropejskim w badaniach interdyscyplinarnych /

Danielewski Marcin, Matla Marzena, Kóćka-Krenz Hanna (red.), 2016, Wydawnictwo Naukowe UAM, ISBN 978-83-232-3119-6, s. 301-313

- [M7] Chyleński M., **Juras A.** Analiza mitochondrialnego DNA osobnika z grobu z epoki brązu z Białego Potoku. Mitochondrial DNA Analysis of the Bronze Age Individual from Biały Potok. W: Biały Potok: materiały z badań Józefa Kostrzewskiego na Podolu. Biały Potok: materials from Józef Kostrzewski's Podolia excavations / Szmyt Marzena (red.), Poznań: Muzeum Archeologiczne, 2016, Bibliotheca Fontes Archaeologici Posnanienses; vol. 19, ISBN 978-83-60109-54-0, s. 485-490
- [M8] **Juras A.**, Chyleński M. Badania DNA osobników datowanych na okres rzymski z birytualnego cmentarzyska w Karczynie/Witowach, stan.21/22. W: Karczyn/Witowy, stan. 21/22. Birytualne cmentarzysko kultury przeworskiej z Kujaw / Romańska, A., Bednarczyk, J. (red.). Instytut Prahistorii UAM, 2016, Fundacja Ochrony Dziedzictwa Kulturowego Społeczeństw Kujaw „Cuiavia”, ISBN 978-83-85795-25-4, s. 175-177
- [M9] Gwizdała M., **Juras A.**, Łukasik S., Chyleński M., Litvinova L., Malmström H.: Anthropological description of skeletal material from the Dniester Barrow Cemetery Complex, Yampil Region, Vinnitsa Oblast (Ukraine). In: A. Koško (Ed.) Podolia as a Cultural Contact Area in the 4th/3rd-2nd Millennium BC, Baltic-Pontic Studies, vol. 20, 2015, ISSN 1231-0344, s. 292-335

2.3 Informacja o członkostwie w redakcjach naukowych monografii.

Nie dotyczy.

2.4 Wykaz opublikowanych artykułów w czasopismach naukowych (z zaznaczeniem pozycji niewymienionych w pkt I.2).

Pozostałe publikacje

(Liczba cytowań podana za Web of Science Core Collection z wyłączeniem autocytowań; dostęp 14.04.2023)

- [D1] Doan K., Niedziałkowska M., Stefaniak K., Sykut M., Jędrzejewska B., Ratajczak-Skrzatek U., Piotrowska N., Ridush B., Zachos F., Popović D., Baca M., Mackiewicz P., Kosintsev P., Makowiecki D., Charniauski M., Boeskorov G., Bondarev A., Danila G., Kusak J., Rannamäe E., Saarma U., Arakelyan M., Manaseryan N., Krasnodębski D., Titov V., Hulva P., Bălăşescu A., Trantalidou K., Dimitrijević V., Shpansky A., Kovalchuk O., Klementiev A., Foronova I., Malikov D., **Juras A.**, Nikolskiy P., Grigoriev S., Cheprasov M., Novgorodov G., Sorokin A., Wilczyński J., Protopopov A., Lipecki G., Stanković A.: Phylogenetics and phylogeography of red deer mtDNA lineages during the last 50 000 years in Eurasia, **Zoological Journal of the Linnean Society**, vol. 194, nr 2, 2022, 431–456, DOI:10.1093/zoolinnea/zlab025

IF₂₀₂₂: **3,838**; MEiN₂₀₂₁: **140**; Cytowania: **13**

Mój wkład w powstanie tej pracy polegał na pobraniu i izolacji aDNA z materiałów kostnych (cervus elaphus) z Nienawiszczy oraz recenzji manuskryptu.

- [D2] Makarowicz P., Goslar T., Górski J., Taras H., Anita S., Pospieszny Ł., Jagodinska M., Ilchyshyn V., Włodarczyk P., **Juras A.**, Chyleński M., Muzolf P., Lasota-Kuś A., Wójcik I., Matoga A., Nowak M., Przybyła M., Marcinkowska-Swojak M., Figlerowicz M., Grygiel R., Czebreszuk

J., Kochkin I.: The Absolute Chronology of Collective Burials from the 2nd Millennium BC in East Central Europe, **Radiocarbon**, vol. 63, nr 2, 2021, 669–692, DOI:10.1017/rdc.2020.139

IF₂₀₂₁: **6,324** MEiN₂₀₂₁: **140** Cytowania: **3**

Mój wkład w powstanie tej pracy polegał na udziale w pobieraniu materiałów kostnych do analiz izotopowych oraz recenzji manuskryptu.

[D3] Pospieszny Ł., Makarowicz P., Lewis J., Górski J., Taras H., Włodarczak P., Anita S., Ilchyshyn V., Jagodinska M., Czebreszuk J., Muzolf P., Nowak M., Polańska M., **Juras A.**, Chyleński M., Wójcik I., Lasota-Kuś A., Romaniszyn J., Tunia K., Przybyła M., Grygiel R., Matoga A., Makowiecki D., Goslar T.: Isotopic evidence of millet consumption in the Middle Bronze Age of East-Central Europe, **Journal of Archaeological Science**, vol. 126, 2021, s. 1-16, DOI:10.1016/j.jas.2020.105292

IF₂₀₂₁: **3,508** MEiN₂₀₂₁: **200** Cytowania: **5**

Mój wkład w powstanie tej pracy polegał na udziale w pobieraniu materiałów kostnych do analiz izotopowych oraz recenzji manuskryptu.

[D4] Yaka R., Igor M., Damla K., Ayça D., Chyleński M., Erdal Ö., Dilek K., Vural K., Bayliss A., Camilla M., Evrim F., Çokoğlu S., Lagerholm V., Krzewińska M., Cansu K., Gemici H., Sevkar A., Dağtaş N., Kılınc G., Adams D., Munters A., Sağlıcan E., Milella M., Schotsmans E., Yurtman E., Çetin M., Sevgi Y., Altınışık N., Ayshin G., **Juras A.**, Bilgin C., Günther T., Storå J., Jakobsson M., de Kleijn M., Mustafaoğlu G., Fairbairn A., Pearson J., Togan İ., Kayacan N., Marciniak A., Larsen C., Ian H., Çiğdem A., Marin P., Elif S., Gerritsen F., Özbal R., Baird D., Erdal Y., Duru G., Özbaşaran M., Haddow S., Knüsel C., Anders G., Füsün Ö., Somel M.: Variable kinship patterns in Neolithic Anatolia revealed by ancient genomes, **Current Biology**, vol. 31, nr 11, 2021, s. 2455-2468, DOI:10.1016/j.cub.2021.03.050

IF₂₀₂₁: **10,9** MEiN₂₀₂₁: **200** Cytowania: **21**

Mój wkład w powstanie tej pracy polegał na koordynacji badań prowadzonych przez Macieja Chyleńskiego w laboratorium aDNA na UAM oraz recenzja manuskryptu.

[D5] Philips A., Stolarek I., Handschuh L., Nowis K., **Juras A.**, Trzeciński D., Nowaczewska W., Wrzesińska A., Potempa J., Figlerowicz M.: Analysis of oral microbiome from fossil human remains revealed the significant differences in virulence factors of modern and ancient *Tannerella forsythia*, **BMC Genomics**, vol. 21, 2020, s. 1-14, DOI:10.1186/s12864-020-06810-9

IF₂₀₂₀: **3,737** MEiN₂₀₂₀: **140** Cytowania: **6**

Mój wkład w powstanie tej pracy polegał na udziale w pobieraniu materiału kostnego do badań molekularnych, przeprowadzeniu badań laboratoryjnych, w tym izolacji aDNA i przygotowaniu bibliotek genomowych, jak również udziale w analizach antropologicznych oraz recenzji manuskryptu.

[D6] Chyleński M., Ehler E., Somel M., Yaka R., Krzewińska M., Dabert M., **Juras A.**, Marciniak A.: Ancient mitochondrial genomes reveal the absence of maternal kinship in the burials of Çatalhöyük people and their genetic affinities, **Genes**, vol. 10, nr 3, 2019, s. 1-14, DOI:10.3390/genes10030207

IF₂₀₁₉: **3,331** MEiN₂₀₁₉: **100** Cytowania: **10**

Mój wkład w powstanie tej pracy polegał na udziale w przeprowadzeniu badań laboratoryjnych, w tym izolacji aDNA i przygotowaniu bibliotek genomowych oraz przygotowaniu recenzji manuskryptu.

- [D7] Ehler E., Novotný J., **Juras A.**, Chyleński M., Moravčík O., Pačes J.: AmtDB: A database of ancient human mitochondrial genomes, **Nucleic Acids Research**, Oxford University Press, vol. 47, nr D1, 2019, s. 29-32, DOI:10.1093/nar/gky843

IF₂₀₁₉: **11,501** MEiN₂₀₁₉:**200** Cytowania: **10**

Mój wkład w powstanie tej pracy polegał na wyszukaniu i przygotowaniu kopalnych genomów mitochondrialnych do bazy amtDB, w tym opisów poszczególnych prób (kontekst archeologiczny, koordynaty geograficzne, datowania itp.) oraz udziale w przygotowaniu manuskryptu.

- [D8] Malmström H., Günther T., Svensson E., **Juras A.**, Fraser M., Munters A., Pospieszny Ł., Tõrv M., Lindström J., Götherström A., Storå J., Jakobsson M.: The genomic ancestry of the Scandinavian Battle Axe Culture people and their relation to the broader Corded Ware horizon, **Proceedings of the Royal Society B-Biological Sciences**, vol. 286, nr 1912, 2019, s. 1-8, DOI:10.1098/rspb.2019.1528

IF₂₀₁₉: **4,637** MEiN₂₀₁₉:**140** Cytowania: **19**

Mój wkład w powstanie tej pracy polegał na pobraniu materiałów kostnych do badań molekularnych oraz izolacji aDNA i przygotowaniu bibliotek genomowych, jak również udziale w przygotowaniu opisu archeologicznego badanych prób oraz recenzji manuskryptu.

- [D9] Stolarek I., Handschuh L., **Juras A.**, Nowaczewska W., Kóčka-Krenz H., Michałowski A., Piontek J., Kozłowski P., Figlerowicz M.: Goth migration induced changes in the matrilineal genetic structure of the central-east European population, **Scientific Reports**, vol. 9, 2019, s. 1-14, DOI:10.1038/s41598-019-43183-w

IF₂₀₁₉: **3,998** MEiN₂₀₁₉:**140** Cytowania: **9**

Mój wkład w powstanie tej pracy polegał na pobraniu materiałów kostnych do badań molekularnych oraz izolacji aDNA i przygotowaniu bibliotek genomowych oraz recenzji manuskryptu.

- [D10] Krzewińska M., Kilińcz G., **Juras A.**, Koptekin D., Chyleński M., Nikitin A., Shcherbakov N., Shuteleva I., Leonova T., Kraeva L., Sungatov F., Sultanova A., Potekhina I., Łukasik S., Krenz-Niedbała M., Dalén L., Sinika V., Jakobsson M., Storå J., Götherström A.: Ancient genomes suggest the eastern Pontic-Caspian steppe as the source of western Iron Age nomads, **Science Advances**, vol. 4, nr 10, 2018, s. 1-13, DOI:10.1126/sciadv.aat4457

IF₂₀₁₈: **12,804** MEiN₂₀₁₈: **15** MEiN₂₀₂₁: **200** Cytowania: **40**

Mój wkład w powstanie tej pracy polegał na udziale w badaniach molekularnych, w tym w izolacji aDNA i przygotowaniu bibliotek genomowych, interpretacji i dyskusji wyników oraz udziale w przygotowaniu manuskryptu.

- [D11] Mních B., Spinek A., Chyleński M., Sommerfeld A., Dabert M., **Juras A.**, Szostek K.: Analysis of LCT-13910 genotypes and bone mineral density in ancient skeletal materials, **PLoS ONE**, vol. 13, nr 4, 2018, s. 1-8, DOI:10.1371/journal.pone.0194966

IF₂₀₁₈: **2,776** MEiN₂₀₁₈: **40** MEiN₂₀₂₁:**100** Cytowania: **3**

Mój wkład w powstanie tej pracy polegał na przygotowaniu koncepcji badań molekularnych, udziale w badaniach laboratoryjnych, interpretacji i dyskusji wyników oraz udziale w przygotowaniu manuskryptu.

- [D12] Stolarek I., **Juras A.**, Handschuh L., Marcinkowska-Swojak M., Philips A., Zenczak M., Dębski A., Kóčka-Krenz H., Piontek J., Kozłowski P., Figlerowicz M.: A mosaic genetic structure of the human population living in the South Baltic region during the Iron Age, **Scientific Reports**, vol. 8, 2018, s. 1-14, DOI:10.1038/s41598-018-20705-6

IF₂₀₁₈: **4,011** MEiN₂₀₁₈: **40** MEiN₂₀₂₁: **140** Cytowania: **4**

Mój wkład w powstanie tej pracy polegał na pobraniu materiałów kostnych do badań molekularnych oraz izolacji aDNA i przygotowaniu bibliotek genomowych oraz recenzji manuskryptu.

- [D13] Chyleński M., **Juras A.**, Ehler E., Malmström H., Piontek J., Jakobsson M., Marciniak A., Dabert M.: Late Danubian mitochondrial genomes shed light into the Neolithisation of Central Europe in the 5th millennium BC, **BMC Evolutionary Biology**, vol. 17, 2017, s. 1-12, DOI:10.1186/s12862-017-0924-0

IF₂₀₁₇: **3,027** MEiN₂₀₁₇: **35** MEiN₂₀₂₁: **100** Cytowania: **5**

Mój wkład w powstanie tej pracy polegał na przygotowaniu koncepcji badań molekularnych, udziale w wykonaniu badań laboratoryjnych oraz analizie danych, jak również recenzji manuskryptu.

- [D14] Philips A., Stolarek I., Kuczkowska B., **Juras A.**, Handschuh L., Piontek J., Kozłowski P., Figlerowicz M.: Comprehensive analysis of microorganisms accompanying human archaeological remains, **GigaScience**, vol. 6, 2017, s. 1-13, DOI:10.1093/gigascience/gix044

IF₂₀₁₇: **7,267** MEiN₂₀₁₇: **45** MEiN₂₀₂₁: **200** Cytowania: **9**

Mój wkład w powstanie tej pracy polegał na przeprowadzeniu badań laboratoryjnych, w tym izolacji aDNA i przygotowaniu bibliotek genomowych oraz recenzji manuskryptu.

- [D15] **Juras A.**, Dabert M., Kushniarevich A., Malmström H., Raghavan M., Kosicki J., Metspalu E., Willerslev E., Piontek J.: Ancient DNA reveals matrilineal continuity in present-day Poland over the last two millennia, **PLoS ONE**, vol. 9, nr 10, 2014, s. 1-9, DOI:10.1371/journal.pone.0110839

IF₂₀₁₄: **3,234** MEiN₂₀₁₄: **40** MEiN₂₀₂₁: **100** Cytowania: **15**

Mój wkład w powstanie tej pracy polegał na przygotowaniu koncepcji badań, udziale w pobieraniu materiałów kostnych do analiz aDNA, przeprowadzeniu badań laboratoryjnych, wykonaniu analiz fragmentów mtDNA wraz z wyznaczeniem haplotypów, koordynacji i udziale w badaniach z zakresu genetyki populacyjnej, interpretacji wyników oraz przygotowaniu pierwszej wersji manuskryptu, który był następnie recenzowany przez pozostałych współautorów.

Punktowane materiały pokonferencyjne

- Stolarek I., Handschuh L., **Juras A.**, Marcinkowska-Swojak M., Zeńczak M., Piontek J., Kozłowski P., Figlerowicz M.: Goths and genetics, **FEBS Open Bio**, vol. 9, nr 1, 2019, s. 98-98, IF₂₀₁₉: 2,231
- Stolarek I., Handschuh L., **Juras A.**, Marcinkowska-Swojak M., Zeńczak M., Piontek J., Kozłowski P., Figlerowicz M.: The biological history of central European human populations, **FEBS Open Bio**, vol. 9, nr 1, 2019, s. 10-11, IF₂₀₁₉: 2,231

2.5 Wykaz osiągnięć projektowych, konstrukcyjnych, technologicznych (z zaznaczeniem pozycji niewymienionych w pkt I.3).

Nie dotyczy.

2.6 Wykaz publicznych realizacji dzieł artystycznych (z zaznaczeniem pozycji niewymienionych w pkt I.3).

Nie dotyczy.

2.7 Informacja o wystąpieniach na krajowych lub międzynarodowych konferencjach naukowych lub artystycznych, z wyszczególnieniem przedstawionych wykładów na zaproszenie i wykładów plenarnych.**Wystąpienia:**

1. **Juras A**, Chyleński M, Preliminary results of ancient genome - wide studies performed on human remains from the Tambo River valley in southern Peru. IV International Symposium. The Latest Results of American Studies. Wrocław, Poland 7-9.09.2022.
2. Chyleński M, **Juras A**, Archeogenetyka populacji środkowo-europejskich od epoki brązu po pierwsze wieki naszej ery. XLVIII Ogólnopolska Konferencja Naukowa Polskiego Towarzystwa Antropologicznego. Antropologia bez granic: Nowe Możliwości Nowe Wyzwania. Łódź, Poland 21-23.09.2022.
3. Chyleński M, **Juras A**, Wykorzystanie badań kopalnego DNA w rekonstrukcji struktury pokrewieństwa populacji pradziejowych. Funeralia Lednicko-Gnieźnieńskie, Gniezno 18 - 19.05.2022.
4. **Juras A**, Chyleński M, Ancient genomics of South American people – applications, new approaches and future perspectives, III International Symposium – The Latest Results of American Studies. The past and present of the New World. Wrocław, Poland 11.09 -13.09.2019.
5. Krenz-Niedbała M, Łukasik S, **Juras A**, Chyleński M, Szostek K, Lisowska-Gaczorek A. Double Burial from Czermno (South-Eastern Poland) in the Light of Anthropological, Archaeological, Isotopic, and Genetic Data. International Medieval Congress Leeds, Great Britain, 1-4.07.2019.
6. Stolarek I, Handschuh L., **Juras A**, Marcinkowska-Swojak M, Zenczak M, Piontek J, Kozłowski P, Figlerowicz M, Goths and genetics, 44th FEBS Congress, From Molecules to Living Systems, Krakow, Poland, 6.07-11.07. 2019.

7. Stolarek I, Handschuh L, **Juras A**, Marcinkowska-Swojak M, Zenczak M, Piontek J, Kozłowski P, Figlerowicz M The biological history of central European human populations, 44th FEBS Congress, From Molecules to Living Systems, Krakow, Poland, 6.07-11.07. 2019.
8. Chyleński M, **Juras A**, Ancient DNA sheds light into the kinship structure of early 2nd millenium BC Trzciniec circle groups from east-central Europe. European Archaeological Asociacion Conference, Barcelona, Spain 5-08.09.2018.
9. Spinek A, Mnich B, Chyleński M, **Juras A**, Szostek K, Association of bone mineral density with LCT-13910 C/T polymorphism in ancient skeletal materials. 21st Congress of the European Anthropological Association, Odense, Denmark, 22-25.08.2018.
10. **Juras A**, Chyleński M, Genetic identification of medieval individuals from the burial in the rampart of the stronghold in Czermino, Cherven' Towns, The Golden apple of Polish archaeology. Workshop No. 6, Hrubieszów, Poland, 27-29.06.2018.
11. Makarowicz P, Pospieszny P, Belka Z, **Juras A**, Szczepanek A, Gorski J, Taras H, Chyleński M, A journey to the south. Tracing human mobility in the Early Bronze Age of East-Central Europe, European Archaeological Asociacion Conference, Maastricht, Holland 30.08. – 03.09. 2017.
12. **Juras A**, Kopalny DNA w badaniach populacji pradziejowych. Funeralia Lednickie 20, Dziekanowice, Poland 10-11.05.2017.
13. **Juras A**, Ehler E, Application of mitogenomics to the studies of ancient human populations. European Anthropological Asociacion Conference, Zagrzeb, Croatia 24-26.08. 2016.
14. **Juras A**, Grynberg M. aDNA studies and historical reconstructions. Workshop II - The Aegean and the Levant at the Turn of the Bronze and Iron Ages. University of Warsaw, Faculty of History, Warsaw, Poland 11-12.06.2015.
15. **Juras A**, Grynberg M. New methods of investigation the past I – Human genetics. Workshop I - The Aegean and the Levant at the Turn of the Bronze and Iron Ages. University of Warsaw, Faculty of History, Warsaw, Poland 10-12.01.2014.
16. **Juras A**, Charakterystyka antropologiczna materiałów średniowiecznych z Sandomierza. XLIII Ogólnopolska Konferencja Naukowa Polskiego Towarzystwa Antropologicznego. Wrocław, Poland 6-8.09.2011.
17. **Juras A**, Badania kopalnego DNA. Aspekty metodologiczne. XI Warsztaty Antropologiczne im. Prof. Janusza Charzewskiego. Poznań 22 listopad 2008.

Postery:

1. Lubacki K, Chyleński M, Szyca A, **Juras A**. Optymalizacja metod izolacji kopalnego DNA ze szczątków kostnych. XLVIII Ogólnopolska Konferencja Naukowa Polskiego Towarzystwa Antropologicznego. Antropologia bez granic: Nowe Możliwości Nowe Wyzwania. Łódź, Poland 21-23.09.2022.
2. **Juras A**, Krzewińska M, Pospieszny L, Chyleński M, Jungerova J, Kralik M, Urbanova P, Fojtik P, Piontek J. Genomic and isotopic studies shed light into the mobility of medieval individuals from Cenral Europe. The Tenth International Society for Applied Biological Science (ISABS)

- Conference on Forensic and Anthropologic Genetics and Mayo Clinic Lectures in individualized Medicine. Dubrovnik, Croatia 19-14.06.2017.
3. Chyleński M, **Juras A**. Investigating kinship in Neolithic Times – examples, methods and perspectives. The Tenth International Society for Applied Biological Science (ISABS) Conference on Forensic and Anthropologic Genetics and Mayo Clinic Lectures in individualized Medicine. Dubrovnik, Croatia 19-14.06.2017.
 4. Philips A, Stolarek I, Kuczkowska B, **Juras A**, Handschuh L, Piontek J, Kozłowski P, Figlerowicz M. Microbiome of 1000-2000 year old human remains. The Tenth International Society for Applied Biological Science (ISABS) Conference on Forensic and Anthropologic Genetics and Mayo Clinic Lectures in individualized Medicine. Dubrovnik, Croatia 19-14.06.2017.
 5. Zenczak M, Handschuh L, **Juras A**, Marcinkowska-Swojak M, Philips A, Piontek J, Stolarek I, Figlerowicz M. Y-chromosome haplogroup assignment through next generation sequencing of enriched ancient DNA libraries. The Tenth International Society for Applied Biological Science (ISABS) Conference on Forensic and Anthropologic Genetics and Mayo Clinic Lectures in individualized Medicine. Dubrovnik, Croatia 19-14.06.2017.
 6. Stolarek I, Handschuh L, **Juras A**, Marcinkowska-Swojak M, Kozłowski P, Figlerowicz M. MtDNA variability in Iron Age Central/North Europe: insights from the next generation sequencing. The Tenth International Society for Applied Biological Science (ISABS) Conference on Forensic and Anthropologic Genetics and Mayo Clinic Lectures in individualized Medicine. Dubrovnik, Croatia 19-14.06.2017.

2.8 Informacja o udziale w komitetach organizacyjnych i naukowych konferencji krajowych lub międzynarodowych, z podaniem pełnionej funkcji.

Nie dotyczy.

2.9 Informacja o uczestnictwie w pracach zespołów badawczych realizujących projekty finansowane w drodze konkursów krajowych lub zagranicznych, z podziałem na projekty zrealizowane i będące w toku realizacji, oraz z uwzględnieniem informacji o pełnionej funkcji w ramach prac zespołów.

Projekty w toku realizacji:

[P1] Tytuł projektu: Mapování dynamiky novokřtěneckých komunit na Moravě v 16. a 17. Století (ang. Mapping the community dynamics of Anabaptist population in Moravia in the 16th and 17th centuries)

Rola w projekcie: wykonawca

Źródło finansowania: NAKI III, Ministry of Culture of the Czech Republic

Numer projektu: DH23P03OVV074

Okres realizacji: 2023 - 2027

[P2] Tytuł projektu: Dolina Atico - Peru w epoce prekolumbijskiej. Rozwój i relacje interkulturowe pomiędzy społecznościami obszaru gór i pustyni południowego Peru

Rola w projekcie: wykonawca

Źródło finansowania: Narodowe Centrum Nauki (NCN)

Numer projektu: 2021/41/B/HS3/03115, OPUS

Okres realizacji: 2022 - 2026

[P3] Tytuł projektu: Wczesne migracje Gotów w świetle badań specjalistycznych

Rola w projekcie: wykonawca

Źródło finansowania: NCN

Numer projektu: 2020/39/B/HS3/00159, OPUS

Okres realizacji: 2021 – 2024

[P4] Tytuł projektu: Kontynuacja i zmiana. Społeczności kurhanowe z III i II tys. przed Chr. w dorzeczu górnego Dniestru w świetle badań multidyscyplinarnych

Rola w projekcie: wykonawca

Źródło finansowania: NCN

Numer projektu: 2018/31/B/HS3/01326, OPUS

Okres realizacji: 2019 - 2023

Projekty zrealizowane:

[P5] Tytuł: Opracowanie sond molekularnych do rekonstrukcji struktury genetycznej populacji pradziejowych na podstawie analizy kopalnego DNA

Rola w projekcie: kierownik

Źródło finansowania: NCN

Numer projektu: 2017/01/X/NZ8/01472, MINIATURA

Okres realizacji: 2017-2018

[P6] Tytuł: Badania kopalnego DNA populacji ludzkich z okresu brązu i żelaza z Centralnej Europy

Rola w projekcie: kierownik

Źródło finansowania: Narodowa Agencja Wymiany Akademickiej (NAWA)

Numer projektu: PPN/BCZ/2019/1/00010, polsko-czeska wymiana bilateralna naukowców

Okres realizacji: 2020-2022

[P7] Tytuł projektu: Dynastia i społeczeństwo państwa Piastów w świetle zintegrowanych badań historycznych, antropologicznych i genomicznych

Rola w projekcie: wykonawca

Źródło finansowania: NCN

Numer projektu: 2014/12/W/NZ2/00466, SYMFONIA

Okres realizacji: 2014-2022

[P8] Tytuł: Społeczność, tożsamość, rytuał. Interdyscyplinarny wzorzec postępowania badawczego w studiach nad cmentarzyskami ciałałpalnymi ludności kultury łużyckiej

Rola w projekcie: wykonawca

Źródło finansowania: NCN

Numer projektu: 2016/23/B/HS3/00450, OPUS

Okres realizacji: 2017-2022

[P9] Tytuł projektu: Migracje i pokrewieństwo w Europie Środkowo-Wschodniej w pierwszej połowie II tys. przed Chr.

Rola w projekcie: wykonawca

Źródło finansowania: NCN

Numer projektu: 2015/17/B/HS3/00114, OPUS

Okres realizacji: 2016-2020

[P10] Tytuł projektu: Rozkwit czy upadek? Społeczeństwa Kujaw od późnego neolitu do środkowej epoki brązu w świetle analiz archeologicznych i specjalistycznych

Rola w projekcie: wykonawca

Źródło finansowania: NCN

Numer projektu: 2014/15/D/HS3/01304, SONATA

Okres realizacji: 2015-2018

[P11] Tytuł projektu: Podole jako przestrzeń kontaktów kulturowych w III – 1 połowie II tys. BC

Rola w projekcie: wykonawca

Źródło finansowania: Narodowy Program Rozwoju Humanistyki (NPRH)

Numer projektu: 12H 13 0556 82

Okres realizacji: 2014-2018

[P12] Tytuł projektu: Etnogeneza Słowian w świetle badań kopalnego DNA

Rola w projekcie: kierownik

Źródło finansowania: Komitet Badań Naukowych (KBN)

Numer projektu: N N303 406836, GRANT PROMOTORSKI

Okres realizacji: 2009-2012

2.10 Członkostwo w międzynarodowych lub krajowych organizacjach i towarzystwach naukowych wraz z informacją o pełnionych funkcjach.

2018-2019 - członkostwo w European Archaeological Association (EAA)

2.11 Informacja o odbytych stażach w instytucjach naukowych lub artystycznych, w tym zagranicznych, z podaniem miejsca, terminu, czasu trwania stażu i jego charakteru.

- 1. Laboratorium Genomiki i Bioinformatyki w Instytucie Genetyki Molekularnej Czeskiej Akademii Nauk w Pradze, Czechy** (Oddělení genomiky a bioinformatiky, Ústav molekulární genetiky AV ČR, v.v. i.). W latach 2020-2022 wyjazdy stażowe (1 tydzień w 2021 roku i 1 tydzień w 2022 roku), w ramach kierowanego przeze mnie projektu NAWA (**P6** w p.2.9) – bilateralnej polsko-czeskiej wymiany naukowców, realizowanej we współpracy z dr Edvardem Ehlerem. Wyjazdy miały charakter badawczy i były związane z realizacją projektów grantowych dotyczących badań kopalnego DNA populacji z okresu brązu i żelaza z Centralnej Europy. Podczas wyjazdu do Czech w 2021 roku zostałam zaproszona do wygłoszenia referatu dotyczącego badań aDNA na seminarium instytutowym.
- 2. Muzeum Archeologiczne w Arequipie, Peru.** W 2019 roku wyjazd naukowy (2,5 tygodnia), w ramach współpracy z prof. Józefem Szykalskim, z **Uniwersytetu Wrocławskiego**. Podczas wyjazdu wykonywałam analizy morfologiczne materiału szkieletowego z okresu prekolumbijskiego oraz pobierałam materiały kostne do badań genetycznych i izotopowych. Obecnie współpraca jest kontynuowana w ramach projektu (**P2** w p.2.9).
- 3. Human Evolution, Department of Organismal Biology, Uppsala University, Szwecja.** W latach 2014-2018 wyjazdy stażowe (10 dni w 2014 roku; 1 tydzień w 2015 roku; 1 tydzień w 2016 roku; 1 tydzień w 2017 roku; 1 tydzień w 2018 roku), w ramach współpracy z dr Heleną

Malmström oraz prof. Mattiasem Jakobssonem. Podróże te obejmowały również wizyty w **Centre for Palaeogenetics na Uniwersytecie w Sztokholmie**, gdzie współpracuję z dr Mają Krzewińską i prof. Andersem Gotherströmem. Wyjazdy do Szwecji miały charakter zarówno szkoleniowy dotyczący nabywania umiejętności w zakresie nowych technik analizy aDNA, jak i badawczy, związany ze wspólnie realizowanymi analizami genetycznymi populacji pradziejowych.

4. **Centre for GeoGenetics, University of Copenhagen, Dania.** W latach 2008-2011 wyjazdy stażowe (jedno- i dwutygodniowe; w sumie 3 miesiące), w ramach współpracy z prof. Eske Willerslevem i dr Heleną Malmström. Wyjazdy te realizowałam w trakcie studiów doktoranckich. Miały one charakter szkoleniowo-badawczy i ich celem było nabycie umiejętności pracy z aDNA oraz realizacja zadań badawczych zaplanowanych w doktoracie.
5. **Estonian Biocentre, University of Tartu, Estonia.** W 2011 roku wyjazd naukowy (1 tydzień) w ramach współpracy z dr Aleną Kushniarevich and dr Ene Metspalu. Wyjazd miał charakter szkoleniowo-badawczy i powiązany był bezpośrednio z realizacją zadań z zakresu genetyki populacyjnej, które zaplanowane były w ramach mojej pracy doktorskiej.

2.12 Członkostwo w komitetach redakcyjnych i radach naukowych czasopism wraz z informacją o pełnionych funkcjach (np. redaktora naczelnego, przewodniczącego rady naukowej, itp.).

Nie dotyczy.

2.13 Informacja o recenzowanych pracach naukowych lub artystycznych, w szczególności publikowanych w czasopismach międzynarodowych.

- 2021 Maár, K.; Varga, G.I.B.; Kovács, B.; Schütz, O.; Maróti, Z.; Kalmár, T.; Nyerki, E.; Nagy, I.; Latinovics, D.; Tihanyi, B.; Marcsik, A.; Pálfi, G.; Bernert, Z.; Gallina, Z.; Varga, S.; Költő, L.; Raskó, I.; Török, T.; Neparáczki, E. Maternal Lineages from 10–11th Century Commoner Cemeteries of the Carpathian Basin. *Genes* 12, 460. <https://doi.org/10.3390/genes12030460>
IF₂₀₂₁: 4,141 (Q2)
- 2021 Kristjansson, D., Bohlin, J., Jugessur, A., & Schurr, T. G. Matrilineal diversity and population history of Norwegians. *American Journal of Physical Anthropology*, 176(1), 120– 133. <https://doi.org/10.1002/ajpa.24345>
IF₂₀₂₁: 2,963 (Q1)
- 2019 Silva M, Justeau P, Rodrigues S, Oteo-Garcia G, Dulias K, Foody G, Fichera A, Yau B, Rito T, Wilson JF, Gandini F, Edwards CJ, Pala M, Soares PA, Richards MB. Untangling Neolithic and Bronze Age mitochondrial lineages in South Asia. *Annals of Human Biology*. 46(2):140-144. doi: 10.1080/03014460.2019.1623319
IF₂₀₁₉: 1,535 (Q2)
- 2018 Šebest L, Baldovič M, Frtús A, Bognár C, Kyseliová K, Kádasi L, Beňuš R. Detection of mitochondrial haplogroups in a small avar-slavic population from the eighth-ninth century AD. *American Journal of Physical Anthropology*. 165(3):536-553. doi: 10.1002/ajpa.23380
IF₂₀₁₈: 2,901 (Q1)
- 2017 Morales-Arce AY, Snow MH, Kelley JH, Anne Katzenberg M. Ancient mitochondrial DNA and ancestry of Paquimé inhabitants, Casas Grandes (A.D. 1200-1450). *American Journal of Physical Anthropology*. 163(3):616-626. doi: 10.1002/ajpa.23223.
IF₂₀₁₇: 2,552 (Q1)

2.14 Informacja o uczestnictwie w programach europejskich lub innych programach międzynarodowych.

Nie dotyczy.

2.15 Informacja o udziale w zespołach badawczych, realizujących projekty inne niż określone w pkt. 2.9.

Nie dotyczy.

2.16 Informacja o uczestnictwie w zespołach oceniających wnioski o finansowanie badań, wnioski o przyznanie nagród naukowych, wnioski w innych konkursach mających charakter naukowy lub dydaktyczny.

Nie dotyczy.

3. Informacja o współpracy z otoczeniem społecznym i gospodarczym

3.1 Wykaz dorobku technologicznego.

Nie dotyczy.

3.2 Współpraca z sektorem gospodarczym.

Nie dotyczy.

3.3 Wykaz uzyskanych praw własności przemysłowej, w tym uzyskanych patentów krajowych lub międzynarodowych.

Nie dotyczy.

3.4 Wykaz wdrożonych technologii.

Nie dotyczy.

3.5 Wykaz wykonanych ekspertyz lub innych opracowań wykonanych na zamówienie instytucji publicznych lub przedsiębiorców.

W latach 2019-2022 uczestniczyłam w pracach na potrzeby opinii w zakresie nietypowych analiz DNA człowieka dla prokuratora Małopolskiego Wydziału Zamiejscowego Departamentu do Spraw PZiK w Krakowie (sygn. akt PK IV WZ Ds. 3.2016, postanowienia z dnia 11 lipca 2019 roku oraz z dnia 8 czerwca 2022).

W 2013 roku uczestniczyłam w ekshumacjach i analizach antropologicznych ofiar NKWD z II Wojny Światowej we Włodzimierzu Wołyńskim na Ukrainie realizowanych we współpracy z mgr Beatą Iwanek i Instytutem Pamięci Narodowej.

3.6 Wykaz udziału w zespołach eksperckich lub konkursowych.

Nie dotyczy.

3.7 Wykaz projektów artystycznych realizowanych ze środowiskami pozaartystycznymi.

Nie dotyczy.

4. Informacje naukometryczne

(Dane z 14.04.2023)

Łączny Impact Factor prac wnioskodawcy – **103,99**

Łączna liczba punktów MNiSW/MEiN prac wnioskodawcy – **2100**

Baza danych	Liczba Publikacji	Łączna liczba cytowań	Łączna liczba cytowań (bez autocytowań)	<i>h-index</i>
Web of Science (core collection)	20	266	224	12
Scopus	20	304	261	12

<https://www.scopus.com/authid/detail.uri?authorId=56400826500#>

.....
(podpis wnioskodawcy)