

OFERTA PRACY

Nazwa stanowiska:	magistrant
Dziedzina:	Bioinformatyka
Sposób wynagradzania (wynagrodzenie w ramach umowy o pracę/stypendium):	Stypendium
Liczba ofert pracy:	1
Kwota wynagrodzenia/stypendium	1500/miesiąc
Data rozpoczęcia pracy:	2 stycznia 2021
Okres zatrudnienia:	18 miesięcy
Instytucja (zakład / instytut / wydział / uczelnia / instytucja, miasto):	Zakład Biologii Obliczeniowej, Instytut Biologii Molekularnej i Biotechnologii, Wydział Biologii, Uniwersytet im. Adama Mickiewicza, Poznań
Kierownik/kierowniczka projektu:	dr Andrzej Zieleziński
Tytuł projektu:	Typowanie gospodarzy wirusów na podstawie metagenomowych sekwencji wirusowych przy wykorzystaniu algorytmów "alignment-free" Projekt jest realizowany w ramach programu SONATA Narodowego Centrum Nauki (nr projektu: UMO-2018/31/D/NZ2/00108)
Opis projektu:	https://www.ncn.gov.pl/sites/default/files/listy-rankingowe/2018-09-14/streszczenia/432555-pl.pdf
Zadania badawcze:	<ol style="list-style-type: none"> 1. Zaprojektowanie i implementacja bazy danych i aplikacji internetowej prezentującej interakcje między wirusami prokariotycznymi a gospodarzami 2. Regularne prezentowanie wyników
Oczekiwania wobec kandydatów:	<ol style="list-style-type: none"> 1. Wiedza na temat biologii molekularnej i wirusologii 2. Zaawansowana znajomość systemu Linux 3. Zaawansowana znajomość nierelacyjnych baz danych 4. Zaawansowana znajomość architektury baz NCBI (NCBI Assembly Genomes, NCBI Virus, GenBank, RefSeq) 5. Zaawansowana znajomość języka programowania Python i C++ 6. Znajomość bibliotek języka Python: ete3, numpy 7. Zaawansowana znajomość frameworku Django, HTML, CSS i JavaScript 8. Wiedza na temat algorytmów nauczania maszynowego 9. Doświadczenie w wysoko przepustowych analizach sekwencji biologicznych 10. Znajomość frameworku Selenium 11. Znajomość systemu kontroli wersji Git 12. Umiejętność projektowania i implementacji relacyjnych baz danych 13. Znajomość zagadnień złożoności obliczeniowej oraz algorytmów i struktur danych 14. Bardzo dobra znajomość języka angielskiego
Lista wymaganych dokumentów:	<ol style="list-style-type: none"> 1. CV 2. List motywacyjny 3. List rekomendacyjny od pracownika naukowego (opcjonalnie)
Oferujemy:	Bardzo dobre warunki do rozwoju naukowego, zaawansowane techniki bioinformatyczne
Dodatkowe informacje o rekrutacji (np. adres strony www):	https://www.ncn.gov.pl/baza-ofert/?akcja=wyswietl&id=184514
Adres przesyłania zgłoszeń (e-mail):	andrzejz@amu.edu.pl
Termin nadsyłania zgłoszeń	25 listopada 2020

Prosimy o zamieszczenie następującej klauzuli:

„Wyrażam zgodę na przetwarzanie moich danych osobowych dla potrzeb niezbędnych do realizacji procesu rekrutacji zgodnie z Ustawą z dnia 29 sierpnia 1997 r. o ochronie danych osobowych (Dz. U. z 2016 r. poz. 922 z późn. zm.)”