|  |
| --- |
| Oferta zatrudnienia |
| Stanowisko w projekcie:  | doktorant |
| Dyscyplina naukowa: | Biologia, biotechnologia, biochemia |
| Typ zatrudnienia (umowa o pracę/stypendium): | Umowa o pracę: stypendium |
| Liczba pozycji:  | 1 |
| Wynagrodzenie/wysokość stypendium/miesiąc *(“X 000 PLN pełnego wynagrodzenia, np. Planowana wypłata netto w X 000 PLN”):* | Przewidywana stawka ~3 000 PLN na miesiąc |
| Początek zatrudnienia:  | 01.05.2022 |
| Maksymalny okres umowy/ stypendium: | 6 miesięcy |
| Instytucja:  | Instytut Biologii Molekularnej i Biotechnologii, Wydział Biologii, Uniwersytet im. Adama Mickiewicza w Poznaniu |
| Kierownik projektu: | Prof. Krzysztof Sobczak |
| Tytuł projektu: | *Patogeneza związana z obecnością RNA z ekspansją powtórzeń trójnukleotydowych: mechanizmy I strategie terapeutyczne*Projekt realizowany w ramach programu MAESTRO Narodowego Centrum Nauki |
| Opis projektu: | Pozycja dla doktoranta dostępna jest w Zakładzie Ekspresji Genów, Instytutu Biologii Molekularnej i Biotechnologii, na Wydziale Biologii (kategoria A+) Uniwersytetu im. Adama Mickiewicza w Poznaniu, który należy do największych ośrodków edukacji wyższej w Poznaniu i jest jednym z najlepszych ośrodków edukacji wyższej w Polsce (status ID-UB).Poszukiwane są osoby zainteresowane pracą badawczą w zespole, zajmującycm się badaniami zwiazanymi z genetyką molekularną człowieka, pod kieronictwem profesora Krzysztofa Sobczaka. Zainteresowania zespołu koncentrują się przede wszystkim na badaniu podłoża molekularnego I opracowaniu terapii eksperymentalnej wybranych chorób neurodegeneracyjnych związanych z występowaniem powtórzeń trujnukleotydowych (dystrofi miotonicznej; DM i zespołu drżenia I ataksji związanego z łamliwym chromosomem X; FXTAS).DM1jest chorobą dziedziczoną w sposób autosomalny dominujacy, wywoływaną ekspansją powtórzeń CTG w 3’-UTR genu DMPK. Transkrypt DMPK zawiera wydłużone ciągi powtórzeń CUG (CUGexp) i jest zatrzymywany na terenie jądra komórkowego w formie skupisk nukleoproteinowych (foci). Ta jadrowa retencja transkryptu DMPK jest po części konsekwencją oddziaływania RNA CUGexp z białkami wiążącymi poly(CUG), takimi jak, czynniki splicingowe należące do białek z rodziny Muscleblind-like (MBNL). Związanie białek MBNL z RNA CUGexp , skutkuje ich funkcjonalnym niedoborem I zaburzeniami alternatywnego splicingu, który to proces jest normalnie przez te białka regulowany. W naszych badaniach skupiamy się na głębszym poznaniu niektórych aspektów molekularnego podłoża DM I FXTAS. Szczególnie tych związanych z metabolizmem miRNA, funkcjami poszczególnych czynników splicingowych, zaburzeniami translacji (RAN translacji). Koncentrujemy się także na opracowaniu podejść terapeutycznych z wykorzystaniem oligonukleotydów antysensowych (ASOs) i związków niskocząsteczkowych zapobiegających oddziaływaniu, in vitro I in vivo, transkryptów CUGexp (DM) I CGGexp (FXTAS) z białkami. |
| Podstawowe obowiązki: | 1. Doświadczenia wyjaśniające mechanizmy rozpoznawania RNA przez białka MBNL I regulację alternatywnego splicingu przez te białka – podejścia całotranskryptomowe.
2. Doświadczenia wyjaśniające mechanizmy RAN translacji powtórzeń CGG w 5’UTR genu FMR1 – podejścia całotranskryptomowe.
3. Wytypowanie genów zaangażowanych w regulację obu wspomnianych procesów (1i 2).
4. Terapia eksperymentalna DM1 i FXTAS z wykorzystaniem ASO i zwiazków niskocząsteczkowych; in vitro oraz w modelach zwierzęcych tych chorób.

Uczestnictwo w przygotowaniu publikacji I wniosków grantowych. |
| Profil kandydata/wymagania: | 1. Idealny kandydat musi posiadać stopień magistra biologii, biochemii, chemii, gentyki, biologii obliczeniowej albo innego kierunku z grupy nauk przyrodniczych (w przypadku stopni naukowych uzyskanych za granicą - dokumenty muszą spełniać kryteria wyszczególnione w artykule 328 ustawy z 20 lipca 2018 *Prawa* o szkolnictwie *wyższym* i nauce (Dziennik Ustaw 2021 poz.478); oczekuje się od kandydata zamiłowania I entuzjazmu do nauki, umiejętności do pracy zarówno samodzielnej jak I zespołowej, zdolności organizacyjnych I komunikacyjnych oraz udokumentowania dotychczasowych badań;
2. Bardzo dobre wyniki uzyskiwane w czasie studiów;
3. Doświadczenie w genetyce człowieka, biologii komórkowej I molekularnej, oraz statystyce;
4. Pozycja idealna dla kandydatów, którzy zetknęli się już z badaniami na modelach mysich, doświadczeniami związanymi z biochemią I biologią RNA lub technikami badań całotranskryptomowych;

Znajomość takich technik jak: klonowanie DNA, RT-PCR, real-time PCR, northern blot i wszystkie typy elektroforezy, western blot, immuno-affinity pull down, głębokie sekwencjonowanie RNA I analiza danych NGS.  |
| Wymagane dokumenty: | 1. CV zawierające dotychczasowe osiągnięcia naukowe;
2. List zawierający podsumowanie dotychczasowego doświadczenia I przyszłych zainteresowań;

Dane kontaktowe do 1-2 wcześniejszych zwierzchników. |
| Oferujemy: | W naszym labolatorium wykorzystujemy szeroki zakres technik eksperymentalnych takich jak, mikromacierze, głebokie sekwencjonowanie RNA/DNA, hybrydyzacja fluorescencyjna situ; oczyszczanie DNA/RNA, klonowanie, genotypowanie, sekwencjonowanie and hybrydyzacja; western blot, immunoprecypitacja, and immunohistochemia; kultury komórkowe, transfekcja and transdukcja komórek ssaczych, mikroskopia konfokalna, mikroskopia pojedynczej cząsteczki, I doświadczenia na modelach mysich. |
| Dokumenty proszę składać na adres: | praca-ibmib@amu.edu.pl |
| Termin składania dokumentów do: | 22.04.2022, 23:59:59 |
| Bardziej szczegółowe informacje (adres strony internetowej): | http://ibmib.amu.edu.pl/en/main-page/ |

Aplikacja musi zawierać klauzulę:

*“ Wyrażam zgodę na przetwarzanie moich danych osobowych dla potrzeb niezbędnych do realizacji procesu rekrutacji zgodnie z Rozporządzeniem Parlamentu Europejskiego i Rady (UE) 2016/679 z dnia 27 kwietnia 2016 r. w sprawie ochrony osób fizycznych w związku z przetwarzaniem danych osobowych i w sprawie swobodnego przepływu takich danych oraz uchylenia dyrektywy 95/46/WE (RODO).”*

*Data I podpis*

Klauzula informacyjna RODO :

Zgodnie z art. 13 ogólnego rozporządzenia o ochronie danych osobowych z dnia
27 kwietnia 2016 r. (Dz. Urz. UE L 119 z 04.05.2016) informujemy, że:

1.Administratorem Pani/Pana danych osobowych jest Uniwersytet im. Adama Mickiewicza w Poznaniu z siedzibą: ul. Henryka Wieniawskiego 1, 61 -712 Poznań.

2.Administrator danych osobowych wyznaczył Inspektora Ochrony Danych nadzorującego prawidłowość przetwarzania danych osobowych, z którym można skontaktować się za pośrednictwem adresu e-mail:iod@amu.edu.pl.

3.Celem przetwarzania Pani/ Pana danych osobowych jest realizacja procesu rekrutacji na wskazane stanowisko pracy.

4.Podstawę prawną do przetwarzania Pani/Pana danych osobowych stanowi Art. 6 ust. 1 lit. a ogólnego rozporządzenia o ochronie danych osobowych z dnia 27 kwietnia 2016 r. oraz Kodeks Pracy z dnia 26 czerwca 1974 r. (Dz.U. z 1998r. N21, poz.94 z późn. zm.).

5.Pani/Pana dane osobowe przechowywane będą przez okres 6 miesięcy od zakończenia procesu rekrutacji.

6.Pani/Pana dane osobowe nie będą udostępniane innym podmiotom, za wyjątkiem podmiotów upoważnionych na podstawie przepisów prawa. Dostęp do Pani/Pana danych będą posiadać osoby upoważnione przez Administratora do ich przetwarzania w ramach wykonywania swoich obowiązków służbowych.

7.Posiada Pani/Pan prawo dostępu do treści swoich danych oraz z zastrzeżeniem przepisów prawa, prawo do ich sprostowania, usunięcia, ograniczenia przetwarzania, prawo do przenoszenia danych, prawo do wniesienia sprzeciwu wobec przetwarzania, prawo do cofnięcia zgody w dowolnym momencie.

8.Ma Pani/Pan prawo do wniesienia skargi do organu nadzorczego –Prezesa Urzędu Ochrony Danych Osobowych, ul. Stawki 2, 00 –193 Warszawa.

9.Podanie danych osobowych jest obligatoryjne w oparciu o przepisy prawa, w pozostałym zakresie jest dobrowolne.

10.Pani/ Pana dane osobowe nie będą przetwarzane w sposób zautomatyzowany i nie będą poddawane profilowaniu.